

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07755653**

Data przyjęcia materiału: 22.08.2023 Data wyniku: 25.08.2023 Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: Camila Gentle Predator\*BY Płeć: Samica Data urodzenia: 15-05-2022**

**Nr Mikrochipu: 900217000129003 Tatuaz: --- Księga rodowodowa: (PL) FPL LO 265681**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

**8046 PKD**

wynik badania nr: 2308-W-09059

Wielotorbielowatość nerek (PKD)

Wynik: Genotyp: N/N

**Interpretacja:**

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie PKD-1, która jest odpowiedzialna za powstawanie wielotorbielowatości nerek (PKD).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681

Chip nr: 900217000129003

Tatuaz nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**8080 HCM Mutacja 1**

wynik badania nr: 2308-W-09059

Kardiomiopatia przerostowa (HCM1)

Wynik: Genotyp: N/N

**Interpretacja:**

Badany kot jest homozygotą pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (A31P), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681

Chip nr: 900217000129003

Tatuaz nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07755653**

Data przyjęcia materiału: 22.08.2023 Data wyniku: 25.08.2023 Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: Camila Gentle Predator\*BY Płeć: Samica Data urodzenia: 15-05-2022**

**Nr Mikrochipu: 900217000129003 Tatuż: --- Księga rodowodowa: (PL) FPL LO 265681**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8113 Choroba spichrzeniowa glikogenu GSD IV

wynik badania nr: 2308-W-09059

Choroba spichrzeniowa glikogenu (GSDIV)

Wynik: Genotyp N/N

**Interpretacja:**

Badany kot posiada prawidłowy allel w układzie homozygotycznym. Kot nie jest nosicielem mutacji w genie GBE1 odpowiedzialnej za chorobę spichrzeniową glikogenu typ IV

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Norweski Leśny i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681

Chip nr: 900217000129003

Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**8123 Rdzeniowy zanik mięśni (SMA)**

wynik badania nr: 2308-W-09059

Rdzeniowy zanik mięśni kot - SMA

Wynik: genotyp: N/N (wolny)

**Interpretacja:**

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie LIX1-LNPEP odpowiedzialnej za SMA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681

Chip nr: 900217000129003

Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07755653**

Data przyjęcia materiału: 22.08.2023 Data wyniku: 25.08.2023 Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: Camila Gentle Predator\*BY Płeć: Samica Data urodzenia: 15-05-2022**

**Nr Mikrochipu: 900217000129003 Tatuż: --- Księga rodowodowa: (PL) FPL LO 265681**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

**8116 Kardiomiopatia przerostowa (HCM3) (Ragdoll)**

Wynik badania nr: 2308-W-09059

Kardiomiopatia przerostowa (HCM)

Wynik: Genotyp: N/N

**Interpretacja:**

Badany kot jest homozygotą pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (R820W), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby dla rasy Ragdoll i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681  
Chip nr: 900217000129003  
Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**8117 Postępujący zanik siatkówki (rdAc-PRA)**

wynik badania nr: 2308-W-09059

Postępujący zanik siatkówki (PRA) rdAc-PRA

Wynik: Genotyp N/N

**Interpretacja:**

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym. Kot nie jest nosicielem mutacji w genie CEP290 odpowiedzialnej za rdAc-PRA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681  
Chip nr: 900217000129003  
Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07755653**

Data przyjęcia materiału: 22.08.2023 Data wyniku: 25.08.2023 Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: Camila Gentle Predator\*BY Płeć: Samica Data urodzenia: 15-05-2022**

**Nr Mikrochipu: 900217000129003 Tatuż: --- Księga rodowodowa: (PL) FPL LO 265681**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8121 Genetyczne oznaczenie grupy krwi  
wynik badania nr: 2308-W-09059

Genetyczne oznaczenie grupy krwi u kota (PCR)

Wynik: Genotyp: N/N

Badany kot jest homozygotą względem allelu N i nie niesie wykrytych do tej pory wariantów genetycznych skorelowanych z serologiczną grupą krwi B i AB (C).

Test wykrywa genetyczne warianty alleli b i c.  
Szereg alleli: N>c>b

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy allelem c i serologiczną grupą krwi AB (C) wyłącznie dla kotów rasy Ragdoll.

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681  
Chip nr: 900217000129003  
Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.  
Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**8047 Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)**

wynik badania nr: 2308-W-09059

Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

Wynik: Genotyp: N/N (wolny)

Interpretacja:

Badany kot nie jest nosicielem mutacji w genie PKLR, która jak się uważa, jest odpowiedzialna za niedobór kinazy pirogronianowej (PK).

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: (PL) FPL LO 265681  
Chip nr: 900217000129003  
Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.  
Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.