

Lecznica: 1000 prywatne

Lek. kier:

Nr zlecenia: 07747699

Data przyjęcia materiału: 02.08.2022 Data wyniku: 12.08.2022 Materiał: Suchy wymaz

Właściciel: Cieślik Joanna

Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: IRIA WAWELSKI KOT Pleć: Samica Data urodzenia: 19-07-2021

Nr Mikrochipu: 992007001018026 Tatuaż: Księga rodowodowa: 220185

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8080 HCM Mutacja 1

wynik badania nr:2208-W-01135

Kardiomiopatia przerostowa (HCM1)

Wynik: Genotyp: N/N

Interpretacja:

Badany kot jest homozygotą pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (A31P), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: 220185
Chip Nr: 992007001018026
Tatuaż: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

8047 Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

wynik badania nr: 2208-W-01135

Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

Wynik: Genotyp: N/N (wolny)

Interpretacja:

Badany kot nie jest nosicielem mutacji w genie PKLR, która jak się uważa, jest odpowiedzialna za niedobór kinazy pirogronianowej (PK).

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: 220185
Chip Nr: 992007001018026
Tatuaż: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

Lecznica: 1000 prywatne

Lek. kier:

Nr zlecenia: 07747699

Data przyjęcia materiału: 02.08.2022 Data wyniku: 12.08.2022 Materiał: Suchy wymaz

Właściciel: Cieślik Joanna

Gatunek: Kot Rasa: Maine Coon Imię: IRIA WAWELSKI KOT Płeć: Samica Data urodzenia: 19-07-2021

Nr Mikrochipu: 992007001018026 Tatuż: Księga rodowodowa: 220185

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8123 Rdzeniowy zanik mięśni (SMA)

wynik badania nr: 2208-W-01135

Rdzeniowy zanik mięśni kot - SMA

Wynik: genotyp: N/N (wolny)

Interpretacja:

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie LIX1-LNPEP odpowiedzialnej za SMA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: 220185
Chip Nr: 992007001018026
Tatuż: --

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

8729 Factor XI deficycy (F11)

wynik badania nr:2208-W-01135

Factor XI Deficycy - PCR

Wynik: Genotyp N/FXI

Interpretacja:

Badane zwierzę jest heterozygotą względem powiązanego wariantu niedoboru czynnika XI w genie FXI.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby dla rasy: Maine Coon

Księga rodowodowa nr: 220185
Chip Nr: 992007001018026
Tatuż: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018. do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

Druk wygenerowany elektronicznie, nie wymaga podpisu. Badanie autoryzował(a): lek.wet. Julita Mision