

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07739777**

Data przyjęcia materiału: 22.07.2021    Data wyniku: 27.07.2021    Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot    Rasa: Maine Coon    Imię: Fanta    Płeć: Samica    Wiek: 15.03.2020    Identyfikator: 616011310004886**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

**8080 HCM Mutacja 1**

wynik badania nr: 2107-W-06110

Kardiomiopatia przerostowa (HCM1)

Wynik: Genotyp: N/N

**Interpretacja:**

Badany kot jest homozygota pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (A31P), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: 181808  
Chip nr: 616011310004886  
Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07739777**

Data przyjęcia materiału: 22.07.2021    Data wyniku: 27.07.2021    Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot    Rasa: Maine Coon    Imię: Fanta    Płeć: Samica    Wiek: 15.03.2020    Identyfikator: 616011310004886**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8047 Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

wynik badania nr: 2107-W-06110

Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

Wynik: Genotyp: N/N (wolny)

**Interpretacja:**

Badany kot nie jest nosicielem mutacji w genie PKLR, która jak się uważa, jest odpowiedzialna za niedobór kinazy pirogronianowej (PK).

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: 181808  
Chip nr: 616011310004886  
Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**Lecznica: 1000 prywatne**

Lek. kier:

**Nr zlecenia: 07739777**

Data przyjęcia materiału: 22.07.2021    Data wyniku: 27.07.2021    Materiał: Suchy wymaz

**Właściciel: Cieślik Joanna**

**Gatunek: Kot    Rasa: Maine Coon    Imię: Fanta    Płeć: Samica    Wiek: 15.03.2020    Identyfikator: 616011310004886**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

**8123 Rdzeniowy zanik mięśni (SMA)**

wynik badania nr: ewa-mlynek@o2.pl

Rdzeniowy zanik mięśni kot - SMA

Wynik: genotyp: N/N (wolny)

**Interpretacja:**

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie LIX1-LNPEP odpowiedzialnej za SMA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: 181808  
Chip nr: 616011310004886  
Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.